

Appendix 3. Character changes for one most parsimonious tree from Phylogenetic Analysis Phase I: Test of Monophyly under ACCTRAN optimization.

Branch	Character	CI	Change
Chauliodinae ↔ node 1	1	1.000	0 ↔ 1
	2	1.000	0 ↔ 1
	3	1.000	0 ↔ 1
	8	0.667	0 ↔ 1
	17	0.286	0 ↔ 1
	19	0.333	0 ↔ 1
	21	0.500	0 ↔ 1
	24	0.500	0 ↔ 1
	27	0.500	1 ↔ 0
	29	0.500	0 ↔ 1
	30	1.000	0 ↔ 1
	31	0.500	1 ↔ 0
	32	0.500	0 ↔ 1
	35	0.500	0 ↔ 1
	40	0.400	0 ↔ 1
	46	1.000	0 ↔ 1
	47	1.000	0 ↔ 1
	55	0.667	0 ↔ 2
	64	0.800	0 ↔ 1
	69	0.333	0 ↔ 1
	70	0.600	0 ↔ 1
	71	0.250	1 ↔ 0
	74	0.750	0 ↔ 1
	77	0.500	0 ↔ 1
	80	1.000	0 ↔ 2
	83	0.250	1 ↔ 0
	88	1.000	0 ↔ 1
	90	1.000	0 ↔ 1
	91	1.000	0 ↔ 1
	92	1.000	0 ↔ 1
Node 1 → <i>Chloroniella</i>	16	0.200	0 ↔ 1
	20	1.000	0 ↔ 1
	47	1.000	1 → 2
	75	0.286	0 ↔ 1
	77	0.500	1 → 3
	82	0.500	0 ↔ 1
Node 1 → node 2	93	1.000	0 ↔ 3
	34	0.333	1 ↔ 0
	36	0.500	0 ↔ 1
	38	0.500	0 → 1
	39	0.200	0 → 1
Node 2 → node 3	43	1.000	0 ↔ 1
	58	0.250	1 ↔ 0
	21	0.500	1 → 0
	24	0.500	1 → 0
	35	0.500	1 ↔ 2