

SUPPLEMENTARY ELECTRONIC MATERIAL

ARDEOLA 67(2)

MATERNAL GENETIC STRUCTURE REVEALS AN INCIPIENT  
DIFFERENTIATION IN THE CANARY ISLANDS CHIFFCHAFF  
*PHYLLOSCOPUS CANARIENSIS*

DIFERENCIACIÓN GENÉTICA INCIPIENTE EN EL MOSQUITERO CANARIO  
*PHYLLOSCOPUS CANARIENSIS*

Juan Carlos ILLERA<sup>1,\*</sup>, Álvaro RAMÍREZ<sup>2</sup>, Laura RODRÍGUEZ<sup>1</sup>, Konstantinos  
POLYPATHELLIS<sup>1</sup> and Javier PÉREZ-TRIS<sup>2</sup>

<sup>1</sup> Research Unit of Biodiversity (UO-CSIC-PA), Oviedo University, Mieres, Asturias, Spain.

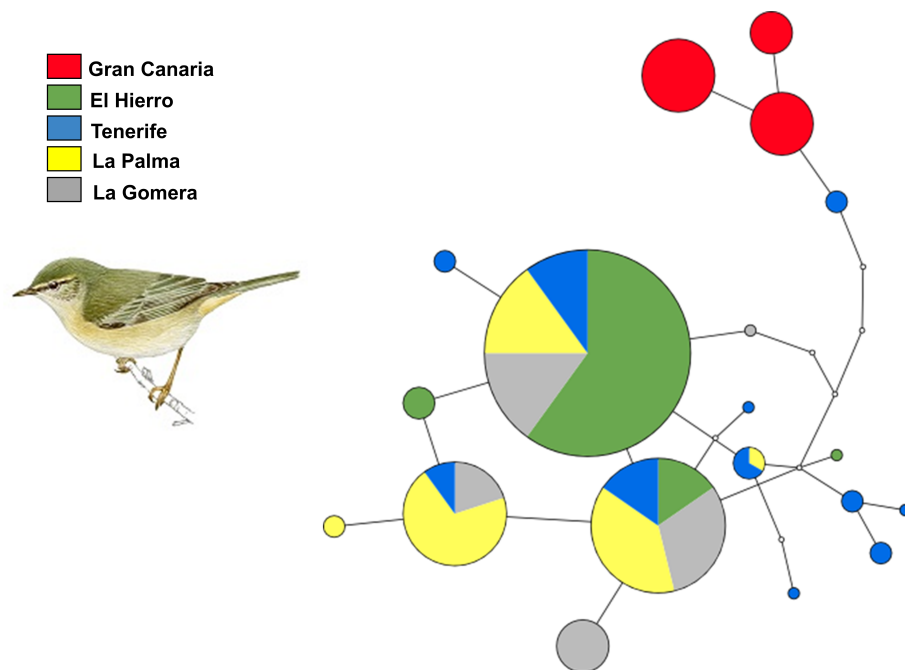
<sup>2</sup> Department of Biodiversity, Ecology and Evolution, Complutense University of Madrid, Spain.

\* Corresponding author: illerajuan@uniovi.es / jcillera3@hotmail.com

## APPENDIX 1

**Figure A1:** Parsimony network of the Canary Islands Chiffchaff *Phylloscopus canariensis* performed with the TCS programme, based on COI sequences. The circle sizes represent the number of individuals that shared each haplotype.

[Red de haplotipos obtenido con el programa TCS usando secuencias del citocromo oxidasa subunidad I –COI. El tamaño de los círculos representa el número de individuos compartiendo cada haplotipo].]



## APPENDIX 1

**Figure A2:** Bayesian consensus radial tree for the Canary Islands Chiffchaff *Phylloscopus canariensis* inferred with Mr. Bayes, based on cyt-b sequences. Numbers above branches indicate Bayesian posterior probabilities support  $\geq 0.89$ . Triangular areas are proportional to the number of individual sequences on each branch.

[Inferencia bayesiana representada en forma radial para el mosquitero canario *Phylloscopus canariensis* obtenida con el programa Mr. Bayes y usando las secuencias del citocromo b. Los números arriba de las ramas muestran las probabilidades posteriores  $\geq 0.89$ . Los triángulos representan las áreas proporcionales al número de individuos secuenciados en cada rama).]

