Appendix S1. Target sequences of 23 polymorphic EST-SSR loci developed for *Metasequoia glyptostroboides*.

>BQSS1

AAACTTGCTAAACAGTTAGTTTCCTAGTTCTGCGCGACATTACATATTATATAAATGTTATCTTTTCTCACCTTGATTTATCATATTCAAAACAAATAAATCAAAACATAAATAGAAGGAAGAAGAGAATTCAGTAACCTTAGCTTATTATTTTCGTTTTTTTTTTATCACTTATCCTACTCCTTGATAAAGTAAAAAAAATATATATATATATATACTTTATATTTTTTTTTACTTTTTCTCATTATTCCGCCAAGGTCAGAGGAGCTCATTCGTTTTCTAATTCCATTTCTCCTTTTTGGAATGAAATGAGCAGCAAAGCTATATATTGCCCATTGAGCAAATAGAACCTGTTAACAAAGCAAACGTTTGAATGAAACGTTTCGTTCTTTTTAGAATCCTAATAGTTATTATTC

>BQSS2

AAGGTTGAGATACAGCAAATGTGTTGAACTGACATTGGCAAATTCACTCCAATAGGTTCCATCCTCTTAAAGAAAATGGTGTTCAGAAAATGATCTAGGAGATACTGAGTTAAAGAATTTTACTGTGTCAGACATATCCTAAAGTATTCCCCTGTGAGTGGCAGTAATTGTGTTATTACTTATTTTTATTGCATATGTGTACACACACACACACACATGCTTAGAAGGCGCAAATGCAATCTTTACATTCATGTCATTGATGTGAGACCAAAATATTTTGCAATATCTGATTCCTATCTTCAACAAATTCAACTAAACCCACTCAGAGATGTTACCAGCAACATGATCATGGGAATGCCTCTTCGTCAAGGCCTAGGCCTCCCCTTCTGCATTATTAGCCTGGACATCAAAAATGT

>BQSS3

CCGGAAGTTACAAGAAATTAGAAGGATAAGCCATTCGTATCTGTTTCCAAGCTCTGTAGTTGGAATAGAGAGAGAGAGAGAGAGTCCAGGGATTTCATCTGAGAAAATGGCTTCTTCCAACAACTACAAGAGGAAATTAGAGGGTTCAGAAAACGGGGGAAGGAAAACGGGGTTTTCTGATGGACCACCTGCGATGGATGAAGTAGAAATAGCGAAACAGAGGGCTCAGGAGATTGTCGCTCGTCTCGTAAATACCGCAGAGGCCAAACGTCCTCGCATCGATGACGACTCCGCCCGCACAGCCATCGAGCAAAAGCCTCCGAGTCTGTCCATTCAAAATCTGCAGTATGGTGACTTATCTTCAATGGCACAGCAGAATCAACCATCTGATTTCCAGGGTTCATCTCGGAAGTTTGAT

>BQSS7

GCAATGCCCAGATTGCTCTTTTGAGCAGAGGATGGAGTCTCAATTCATTCCATGCTGAAATTTCCTCCATATCAAATGGCAAATCACCTTCACAATCTTTTGCACTAATATCATCTGGCACTCCTGATATGCCTGTATGAGTATTATCTGCATCACGGTCTTCCTCTTTACTTTCTATTGTGTCTTTCTTCTTTTTCTTATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTTTTCTTTGCAGAGTTTGATGCCAACCCTTGCATCGAGTCATCTTTCTGAGAGAGTAATGACTCACTCCTGTCATCAATTTTTACTGTCACACGTTTCGGCTTCTTTGATGAAGAACTAGTTTTCTCACTCCTGTCATCAATTTTTTCTGTCACACGTTTCCGCTTCTTTGATGAAGAACTAGTTTTCTCAGATTGAGC

>BQSS9

AAATTAATAAATTAAAAATCTCTATCGCCCTCCAATTTAAATATATATATATATATATATATATGACAGGAGGCGTAATTAAGTATTTCATATCTGCTGGAGTACGATTATGGAAAGCTTCTAGACTGTTGTTTGTCTACCTTGACTAACTTACTTCCAAGCTATTTAGAAGATTGAAGCCAGGATTACAGGTTCGCCAAGTTATTGAATAGGCTAGTGGATTTATTTACAGAGAGAAGCTAAAATCTGACGAGGAGGTTCAAATGAGCGCCGAGAGTGTAGAACAGCCAGGTTGTCCAATAACAAAACATCACCTTTATGCCACGGAACGGCAACACTTTCGTCCTCCAAGATCCTGAGACATTCATGAATGACATCTTTTGGCAAAGGTGTTCCATCTCCAAATGTTACTGCCTTCTCAGGA

>BQSS10

TGAAACAAGTAGGAGAGCATTCCGCATAGTTAGGCCAAAAGAGGAAGCAGAGAGAGAGGGAGGCGTTAGTGGAGGAAACTTCCACAGAGAGCGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGCTTATCCCCGTATCCTCCTCGACTTCAGCCACAATTCGCCTGCACATGACGAGGTCTCTTTGGCAGCAGAGGGACAAATGATACCTGACATGGACATTGCTGAGGCGACGACCATACCCTTCCAGCCAGCAACATTCACATTGCCGGTTTTGCCAGCAGG

>BQSS17

TTTCACTTTTTTATAATATCAATGTTGGTCCTGGATCTATGTTACAAGCACCCTTAGAGGATGCATCAAAAGGAGATTTAACACCCAAACTCAATTGTGAAAGTCCATCTTGTCCTATGGAACTTATTCATCCTCCTGAGGATTGTAACATAAATAGCTCATTAGCTTTTACACTCCAGCTTTGCCGAGTGGAAGATATTAATGTTGATGGCCTTGTTAAAGGAAGTGTAATTCATATTAATCGTGCAAGGACAGTAACTGTAAATAGTGCTGGTGTGATAACTGCATCTGGGTTAGGTTGCAGAGGAGGTATAGGCAAAGGTACGGTTCTAAGTGATGGTGCTGGTGGTGGTGGTGGTCATGGTGGCAAGGGTGGTGATGGGTATTTTAATGGAAATATTAGTAAGGGTGGCGAAGAATATGGAGATGCATACATGCCATGTGAGTTAGGAAGTGGTAGTGGAAATTCAACTTCAGAAGGGACCACTGCTGGTGGTGGAATAATAGTAATGGGTTCTATGGAGCATTCACTATCGAGTTTGGAAATATTTGGTTCAGTGAGAGTAGATGGGGAAAGCAATCGCCCAGTGGCTCGAGATCAAATTGGAGAAAATGTGGCCGGTTCTGGTGGTGGTTCTGGTGGAAGCCTTCTTCTATTTTTAGAATTCTTGACACTAGGAAACAATTCCTCGGTTTCTAGTGCAGGGGGTGGTGGAGGCCATGTTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGAAGGATTCATTTTGATTGGTCAAACATAGCTACTGGAGATGAGTACATTCCCTTGGC

>BQSS18

AATCATCCTCCTCCAAATTATTGCGAATCTCGCCATTCTGATGCACAGAACCGCCATTTTCTCGCACATCCGATCTCAAATTCTCGTATTTCTTCTCGGTATCCTCAACTTTCTCCAGACTTTCAGAAGACCCTAAATCGTCCATTGTCCCAACAGAGCCACCATCAACCGCCACGTCCATCACCAAACAAACGACAAAAAACAACAACAACAACAACAACAACAACAGCCCCCAACTGAAAACAAATCCCGATCAAATCACTCCCCCCGAAAAACCACCGAAATGCCTCTGAAATCAACGAATCCTAGACAGTTTTTAACAAAATCACGGTCCATCTGAAGCTAAAAGCCCGAGAATTTCAAATCAGATATCCTCCTCGCAATCAAGAGGGTCCGCATTGCCAAAATTTACATCGAAAATGGGAGG

>BQSS21

CCTGTGATCCCAGTCTTACCAAATACTGGTCGGATGCTGTCTACAAGAAGTTGAAATTGGACGACACAGTTGAGCTCGGCGATGAATTTTACTGCAAGTTTGTATCTGGAGACTCCAGTGAGGAGAGAGCAGGCGATGGGTCTCCGTCCAGAAGTGGGCGGACTCAGGAATTGGACGAGACAGGGGGAGGAGAGGGAGAGGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGAGGGAGGAGGGGGGAGCGCTGGTGGCGGGGCTTCCTCGTCGCCGTCGGTAGAAGAGGAGGAGCAGCAGCAGCAGAGAGCAGGGGCGAGGAGAGGAAGAGGAGGGGGAGGGAGGCGAGGCGGTGAGAGCAGGCATCCTGTGTACAGGGGAGTGAGGAAGCGGCATGGGGACCGCTGGGTTTCTGAGATTCGGGAGCCTGGGAAGAAATCCCGCATTTGGTTGGGTACATTCCCCACCCCTGAAATGGCCGCCCGTGCTTATGACACAGCTGCTTTTAATCTTAAGAAACCCTACGCCTTTTTGAATTTTCCTGATTCCGTTTCCTCATTGCCATTGCTACCGCTCGCTTCGTCCCCCAAACAAATTCAGGAAGCCGCTGCCGCCGCCGCCGCCGCCTTCCAAACCACAAGCCCTCCTGCAGGAGGCGGCGGCCTTGTACCAACTGCGCAGCAAGGCGAGTCCTCGTCCTCGTTCACTGGAGCAGCGACCACCGTGTCAATGTCCATTGAAAGTATGCAGCAGCTGAGCATTACCGTTGCCCCTCCACCGCCGTCCTTGTACTTCGACGAGGACATGATCTTTGACATGCCTAATGT

>BQSS26

TCATTGGTATCTGAACTGAATTGCTCGTCATGATGTGACTGACTTTGGATTGCATACCTGGGTCTCCTGGATCTCTTTCCCTTCATCCATCTATCAAAGCTTCTTGAATTCTCATTTGGGTAGTTCTCAGAAGCAGGGTGCTGCTCAATCTCAGCCTCACTCTCACTCTCTGTAGAGCCATCTTCTTCTTGGGATTGGGTACCCATCATAAATGGGTATTCCTGATCTGAAAACCGCCAGCTGCGTTTGGGATTCCTCCGCAGAGTATATAATTGATCACCATTCAATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTACATCTTCCTCCGCTGACTTGTAAAGCATCCTCTTCTTCTCACCAGGTTCTGCCATGGCAACAGGGCCGTGGGCTCTCATATGACCACCCAAGGCTCTTCCAGAGACAAATC

>BQSS27

TCTGGAAAAATCAATCATCATATATTTAATTCTGCGCTTCTTAGTGTTCAAGTGTCAGGTATGCTTTGTAAAGCTGGGAATATTACAGGTGAACCTTCAGCTATCCTGGAGAATAAGATTTGAGTGCACTGCACTTATTTTTTAAATAAAGTATTTTATTCTGTGACAATGGATGGGACAGTTTTTTATTAAAGTCTCTTTGCACAGTTTTTCTTGGAGTGTTATATATATATATATAATAATTTTGATTGGCATATTTTAGGTCTCAGGGCAGAGGCATTGCCAACTTGGCCCTACTTTTCCAGCTTTAGAGCCTTGCCGATTTTCAGAGAGATCTTGGACATGATTTGCATTTTGCTTACTCTCTGCTCTGCATGGGGATCCGGGATAGGGTACAAGATTGGGAGCCTGCCATT

>BQSS29

AGAGCTTGTAACATAAAGATGTCTGATGTATTTATTTGAAGGCTTAGAGGTTCAATATAGCTTTTGAGACTGGTGGGATAATTAAATCTCTTATTTTTTTCGAAGTTACTGGTTCTGGTATGGATCCTGGTTCAGGTTTGTGGGTCCAGCAAACTTTCTTTGGCTGGATTCATTCATATGAAAGCATGTAAAAATCTTTCATATATATATATATATTTGCAGCCTAAAAGCAGGAATTAAGTGTAGAATACCATATAGCATGATATAATCAACAAAATTACCATAAACGCTAATGTCATTTAAAGCATAACCCCCTAACCCCTCATGGGGTTCAGGGGTAGTCCCCCTAACATGTTTCCTATTGTGACACATGGCAGGGTTGAGGGGCAGAGCCTCTGCCGCCAAGCTCAAATGAA

>BQSS32

GTAGCAAATAGAACAATGAATAGCAAACTTAACTACAAATAGATGTAGTATTTGTATATTCTCTTGTCCTTCATCTTACTACCACTTCTGCTCTCTTCTCATCGCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTGTTTTCTTCTCCACGAATTGGAAAATCTCAAAATGAGTAATTTTTTGTTTTTAGTCGTTAATGGGGATGTTTCAGGTTTAGGGTTGGTTTAAAGGGTTTTGGGGGTCCTTGTGCACACCCCTCCTCCCCTCCCCACCCTGAAAACCTGTTTGCACCATAGGGGACAGCTAGCCATCTCCTAATGCACCCAAGCATTTACTTAAAATTCAAGTACCTGGAATATTTCCTAAGTTTCTGCAAATTTAGGGATAGGGTGGGGACGTTTCCTACCTGTTCCTGTGTCCCCAATGGGGGCA

>BQSS34

CTGCAATCCATGTCATAAAATTTCTTCGAGCGCAAAAATTTAAGCTCAAGAACATCAAAGTCTTCTTTTTTTTGTTGTTGCTGTTTTGTATATTAATCAAGATCAAGATCAATACAGGTAGTCAATCCGAAAATTTCTGGTCAAGAGCATCAGCTTCCACTGTTCTATTTGGCTTTAGGTTTTCATATATATATATATATTTATTTTGCGGGGGGAGGTTCAAAGGATTGATGGCCAGCGACATGTCAAAGGAAGTGAGATTATGGAACGACAAGCGCGAGCGCGAAATGTACGACAATTTCGCAGACCTCTTTGCCATAATCCGAACCATGGAGAAACTGGAAAAAGCTTATGTTCGCGACGTGATTTCCCCAAAAGATTACGAACCAGAATGCTCAAAATTAATAGCTCAATTC

>BQSS35

TTCCAATCACTGCAAAGCGTTGCATCCCCGCCTGACCGCTCTTCAATCTTTCCATCAGCGACTCGTACGAGCTCCCCTCCCCCATTTTGCCCCTTTCTTTATCTTCGCTCAGACTCTTCTTCACGCTCTCTGTTTAAGAGCAAGCTATCTGAACATTCGCACAATTCCAATCACGCTGTGTGCAGTGAAAGTTGAGCAATAACTGACACTTTGAAGATGAATGCAATCCAGGCCTCGGCATTTCCATTAGAAAAACAAAAATGAGTCATGACAAGACTGCATATTACAGCAGAGATTGAGAGAGAGAGAGAGAGAAACTGTGCTAGAAGCGGCAAAGTACACCGGTCATGCCAAACAGTTGCCTGATCGGAATGCACCTATTCTTCATGACAAGACTCTGCATATTATAGACAGAATT

>BQSS36

TTTTTTGCAACTAGAAACCATAAATCATTTACTAATCCTCAACACAAGGATGCTTGTTACATGTTTTAATGAAGATTTATATAGCACTCTGAAACCCTCTCTCTCTCTCTCTCTTATTTTCCCTTCTTATTGTAATACAAGAACATTGCCTTTAACAAAATGCAAGGAAGAAATGACATTCACTGCATCATATTCCTTGGCAAACGAAGGTACAACTCGGATTCTCAATTATGAAGGGTAGCTAAAACCAAACAAGATACAGTATTCTGTGGGGTGAATCTTTCAGAGCAACTAAAAAGAACTCTAAAACATACAGAGCATCTGACACTCAGGATTAATTATTGGATTGGAACTGCAAATAAAAACATTTCAAAAGGAACTTTGCCCTCAAAAGCAGTGGAGGGATTTTAACTGGCTT

>BQSS38

TGTTTAGGCATAAACATAAACAAAGATAGGATTGTGAGTGTGATCACATGAGGAGACATTAAGAATAGCACATATAGCGGATTACATAATTTAAGAGTATGATACAAACAAACCAACCAACCAATCATTGCAGATAATACATATAGCCAATTCTATATCTAGAGATCTCTTATCCACTAGCATATTCATCAGGGTTCGTGTATATATATATATATATATCTATATCACAAATAATAAGCCGAATATAGTCCCTCAAAATCCATCTTCGATCAAATTCAGGATTTACTAATTGAACTCATTTATTACTAGTCTTGCTTACATCCTTGTTATAGGATCAACAGGTAAACCTAAGTTGAATAATTATCTAGATTGTATGTTAGAAATTGGGCATCATCATCACCATTTTGACATTCATACC

>BQSS45

ATACTGTTGTCATGATCAAATTTTATTGCTGTCATACTGTTGTCGTGATTAGATTTACAATTTTACTGTTATTAATATTTATTGCTGTTATACTGTTGTCATGATTAAAGTTTTAAACTGCTGTTGTACTGCTGTCATGATCAAATTTTATTGCTGTTATACTGTTGTGATTAAATTTACTATTTTACTTGCTATTAATATTTATTGCTGTCCATTAGCTTGTAGGAATTTGAGTATCTCTCTCTCTCTCTCTCTATATATATATATATATACATAGTAATGAGACTTGGACTCGGCACGGACTAGGTGAGGGTGACTTGAGTCAGGACTTGGGACTCGGTGCCTAGACTCGGCACAGACTCAACAAAGTGAAAAACCCAAGAAATTTAGAGATTTTTAAGGATTTAAAATTTGTTTCATGCACCTTTTATTAAAT

>BQSS46

AGTGGAAGGATCCTTAGCTTCCATCTTGCCTTCATTTTCCATTTTTTGTTTATCCATTTCTTGTCATGCATCACCTTTGGCCAGACATGCTGGAATTGGTAGACCAACCCTCCTTACCAAGGACCCTTGTGATGCAAGGTTAGTGCCCTCACACATACACACACATGCTCTGATACCAAAAGATGCAACGGTACCCCCCTCACACACACACACACATGCTCTGATACCAAATGATGCAGGGATACTCTCCCTCAAACACACACATGCTCAACATAATGGAAACCAAAAGATACACACAAAACTCATAATGAATTTATTGAATCCAAATTTAAATATAATTTTCTTTCCAAACGAGACCTGCAACAAAAACATTGCAAACATTGGCATTCATGGCCTCTTATGATTCATCCCTCTCT

>BQSS48

AGTTTAATTATTGGGTGAGTTCAAGAAGTTGGGTCCGCAAAATATTCAGAAAGTGGAATTTTTTTCTTGATTTTTAAAATTTGTCATAGTTGAACTAAAAATTTGAAGCACTTACACGAACACCATAATTTGACCTAAGTAAAAGTACTTTTATAATTAATTTTTGGGAAAGATATGTATTATATTGAAAATTGATGAGGATATATATATATATATATATATATTTCTAAATAGTATTTTTAATTAGCTCTAATTGTTGTCTTTTAGAAAACCCTTGCGTATGGACACTATAATTTGAACTAAAGTAATCTATTTTTTTTAAAATCATTATAGTAAAGAATTATTTCTAAATTGGTGACATTTATTTATTTTTACAAGAAAATTAACAAATTAAAATTTAATTAAAAAATATAGAAAACCTATG

>BQSS49

ACAACAAGCACAACAGGTAGCACAATCTCAAGCTCAGGTGCAAGCCCAAGCCCAAGCCCAAGCCATAGCATAGGCACAAGACCTTCAGTAACAACAATAGGCACAAGTGCAAACACAAGCACAAGCTTTGCAACAAAAATCTTATTAACAAGCTTTGCAACACTACTAGGCTTAATAACAAGCCCTAATAACAAAACAACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAATTTGCACAATGACAAGCTACTCAATAACAAGTCACCCAACAATAAGCCTTATATCCCAAAACAACAACAATCATACCAGAAATCATTGTTGGCACAATAGAATGCCATGGCCTTCCACACCTATGGAACACCCATCATTCCTTCACCATCTACACAAACCACTCGACAACCCATCATCCATACCTCTAAACATGAATG

>BQSS50

TAGAATCTGGCATGGACTGCATCGCTGTCTATAGCAATCAAGACGACAAGCGATGAAACATCCCATCTCATCTCGTCACCAATCCGAATAGTTCCGTTCAGGGGCGCTAGGGAAACACTAGGGACTGCGTCGCTACACTCCGGCCCGGCTTCGCCTCATGACTGCCTTCTTGATCACTTCAATCCACTTGTCTTGCCCCGTGCATGCATGCATGCATGCATGCATGCATGCATGCATGCATGCATGCAGAGGGAGGAGCCCCTCGTATCGATTCCCCGGCTTCTTTCGGTTCCGGTTACTTGTCTTGATCGATGACGGAGCAACTATCTCCGCCCACCCACCCCCTGGCGAATAGTAGGGGCCCATTGCCATAGTAGGGGCCGCCCACCCGATACACTTCTCTTATCTACGGATTAACGACCGATAAAGAAGGATGGCAAGGGGAGGA

>BQSS70

AATATCGTGTGCCACATTGTGACTGAAAGTGTTGAATCATAGATAAGACCTTGTCTCCAAATTTTTATTTGGATGGATGGATCTTATACTTCCACTCTTGGCCCTGATGATCTATGTGTACATTGACTTGTATTCAAGTCGATTACATGCATAACTTATTTTCTTGACAAGACCAAAATGTGTGAAACATGTTGATGTAATTTTTTCTTTCATTTAGTGCATGGATGGTAAGATATTTTGACAATGTATGCAATATATGTGACAACTATATGCATGTATATATGTCTATATGTATATGTATATGTGTGTGTGTGTGTGTGATGTGTAGGGCTAACATTTGTTTTGTTAAAAAGAATTATGCCGCAAGATTACAATGCAAAGATATGTATGATGGATGATTTAAT